



Faça o que eu fiz na aula

Chegou a hora de você seguir todos os passos realizados por mim durante esta aula:

1. Importar bibliotecas e ler os dados;
2. Fazer uma análise rápida vendo os 5 primeiros dados que foram importados, a quantidade de atributos e a quantidade de amostras/exemplos;
3. Remover os labels/rótulos dos dados;
4. Traduzir os nomes das Colunas;
5. Instalar a biblioteca biokit e realizar as importações necessárias para a matriz de correlação;
6. Gerar a matriz de correlação;
7. Normalizar os dados utilizando o Scikit Learn;
8. Retornar os dados ao estado original.